

crecimiento. Los resultados de este trabajo sugieren que los modelos de repetibilidad no son adecuados para describir la trayectoria del crecimiento y que los MRA-FC presentan una mejor descripción de los datos cuando se modelan varianzas residuales heterogéneas a través de intervalos de la trayectoria.

Bibliografía

- Henderson, C.R. 1984. Applications of linear models in animal breeding. University of Guelph, Guelph, Ontario, Canada.
- Patterson HD, and Thompson R. 1971. Recovery of inter-block information when block sizes are unequal. *Biometrika* 58, 545-554
- Kirkpatrick, M., D. Lofsvold, and M. Bulmer. 1990. Analysis of the inheritance, selection and evolution of growth trajectories. *Genetics* 124, 979-993.
- Littell R.C., G.A. Milliken, W.W. Stroup, R.D. Wolfinger, and O. Schabenberger. 2006. SAS® for mixed models, 2nd Ed. SAS Institute Inc., Cary.
- Meyer, K. and W.G. Hill. 1997. Estimation of genetic and phenotypic covariance functions for longitudinal or “repeated” records by restricted maximum likelihood. *Livest Prod Sci* 47, 185-200.
- Meyer, K. 2007. WOMBAT –A program for mixed models analyses in quantitative genetics by REML. *J Zhejiang Univ Sci* 8, 815-821.
- Verveque, G., and G. Molenrghs. 2000. Linear mixed models for longitudinal data, 1st Ed, Springer, New York.