



# Algoritmo de programación evolutiva para identificación de arquitecturas software

A. Ramírez, J.R. Romero, S. Ventura

Dpto. de Informática y Análisis Numérico. Universidad de Córdoba, España.

***IX Congreso Español de Metaheurísticas, Algoritmos Evolutivos y Bioinspirados. Madrid (España). 17-20 de septiembre de 2013.***



# Índice de contenido

1. Introducción
2. El problema
3. Diseño del algoritmo
  - Genotipo y fenotipo
  - Función de *fitness*
  - Operadores genéticos
  - Inicialización, selección y reemplazo
4. Experimentación
5. Conclusiones y trabajo futuro

# Introducción

- Ingeniería del Software
  - Tareas muy vinculadas a **decisiones humanas**
  - Repercusión sobre la **calidad** del software
- Metaheurísticas Bio-inspiradas
  - Resolución de problemas de **optimización** y **búsqueda**
  - Utilizadas con **éxito** en múltiples campos



¿Qué es **Search-Based Software Engineering**?

**Aplicación de técnicas de optimización y búsqueda a tareas de la Ingeniería del Software**

*Reformula problemas de la Ingeniería del Software para convertirlos en problemas de búsqueda y optimización*

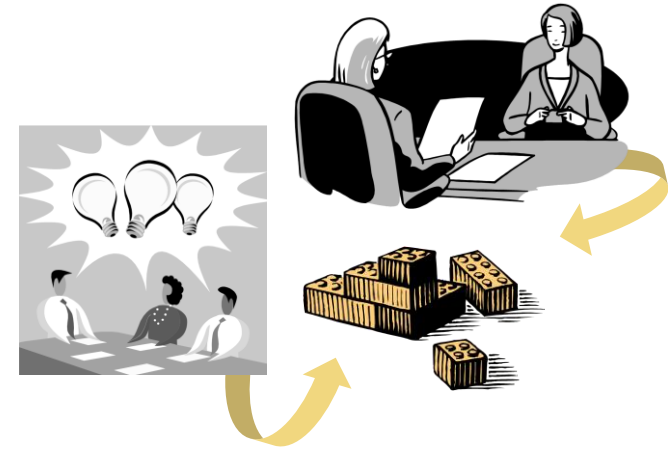
# Introducción

## Análisis arquitectónico

Definir los **bloques funcionales** del software

Útil en sistemas **complejos**

Calidad, reusabilidad y mantenimiento

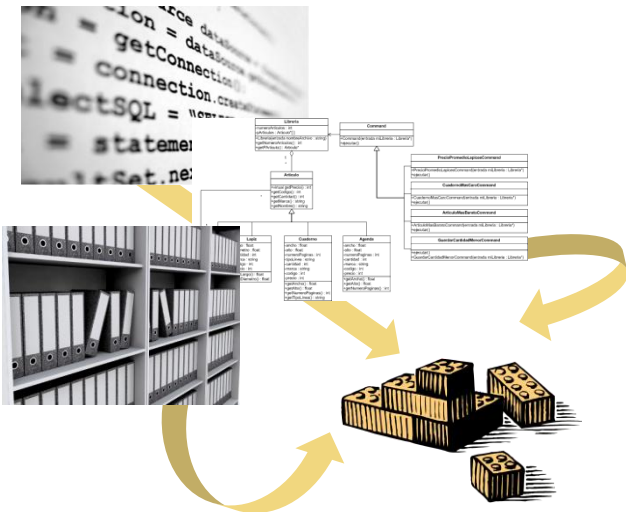


## Recuperación de la arquitectura

**Abstracter** la funcionalidad de sistemas ya operativos

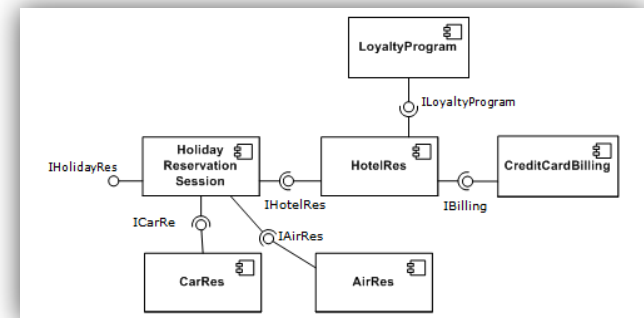
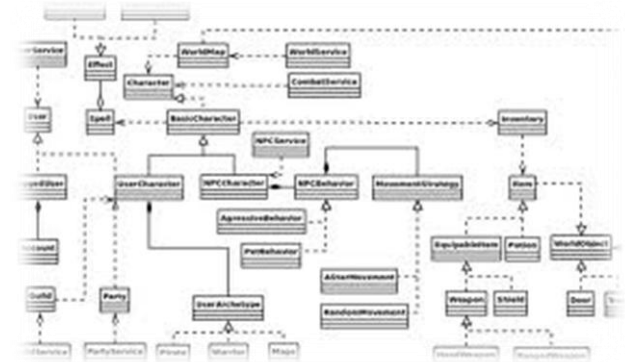
A partir de **modelos de análisis** cercanos a la implementación

Enfocado como **problema de optimización**



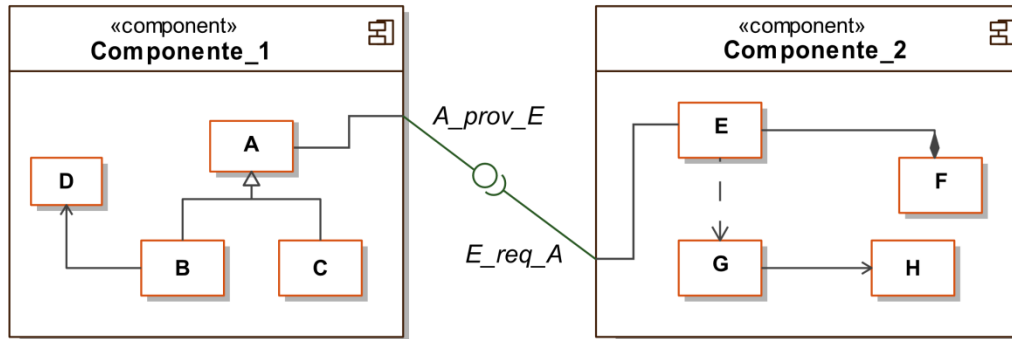
# El problema

- Método de **apoyo a la decisión** del arquitecto software
- Búsqueda de la **configuración óptima** de:
  - Componentes, Interfaces y Conectores
- Partiendo de un **modelo de análisis** detallado del sistema
  - Búsqueda de **agrupaciones de clases** fuertemente relacionadas
- Presencia de **restricciones**



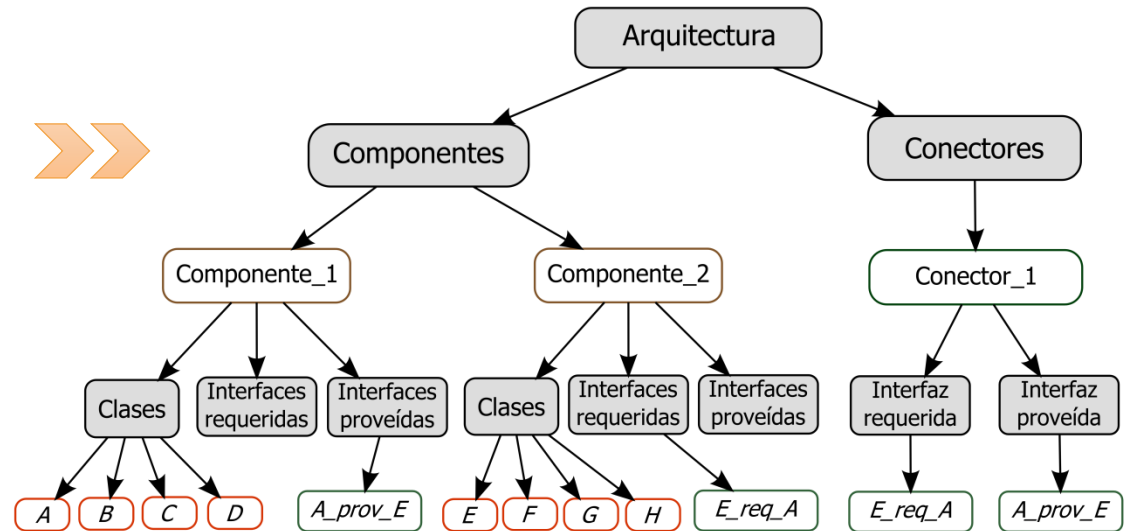
# Diseño del algoritmo

## Genotipo y fenotipo



«« Fenotipo

Genotipo »»



Flexible  
Eficiente  
Interpretable  
Similitud con modelos

# Diseño del algoritmo

## Función de *fitness*

- Métricas asociadas a **conceptos de diseño**
  - Cohesión, relacionada con las intra-relaciones
  - Acoplamiento, relacionada con las inter-relaciones
  - Complejidad, relacionada con el tamaño

$$coh_i = \frac{w_{cl}}{(w_{as} + w_{de} + w_{co} + w_{ge}) \cdot (n_{cl} - 1)} \cdot [w_{as} \cdot n_{as} + w_{de} \cdot n_{de} + w_{co} \cdot (n_{ag} + n_{co}) + w_{ge} \cdot n_{ge}] + w_{c2} \cdot \frac{1 - n_{gr}}{n_{cl} - 1}$$

$$acopl = \frac{1}{R_{\max}} \cdot \frac{2 \cdot R}{C \cdot (C - 1)}$$

$$R = \sum_{i=1}^C \sum_{j=1}^C \max r_{i,j}^k$$

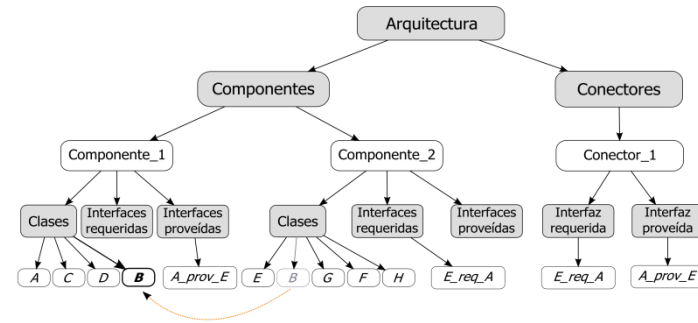
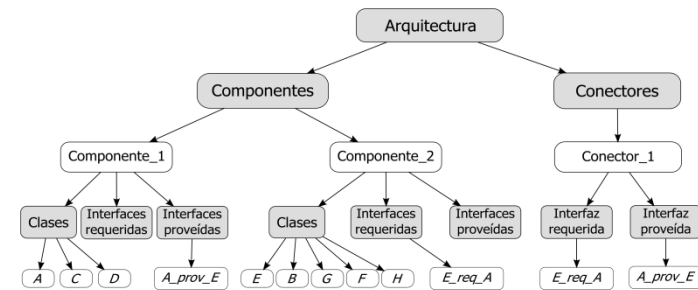
$$CV = \frac{\sigma}{\mu}$$

$$fitness = w_{coh} \cdot media(coh) + w_{acopl} \cdot norm(inv(acopl)) + w_{cv} \cdot norm(inv(cv))$$

# Diseño del algoritmo

## Operadores genéticos

- Ausencia de operador de cruce
- Cinco operadores de mutación
  - Representan transformaciones arquitectónicas
    - ❖ Mover una clase
    - ❖ Añadir un componente
    - ❖ Eliminar un componente
    - ❖ Unir dos componentes
    - ❖ Dividir un componente
  - Selección del operador basada en una ruleta de probabilidades





# Diseño del algoritmo

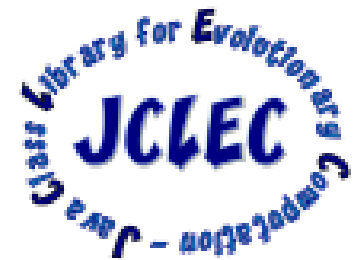
## Inicialización, selección y reemplazo

- Inicialización
  - Número de **componentes aleatorio** (min-máx.)
  - Distribución **aleatoria** de las clases
  - Identificación de **interfaces candidatas**
- Selección
  - Cada individuo actúa como **padre**
- Reemplazo
  - Sobrevive el **mejor** entre el padre y su descendiente
  - Mejor estrategia entre las consideradas

# Experimentación

## Configuración y parámetros

Parámetro	Valor	Parámetro	Valor
T. Población	100	Prob. Mut. Añadir Comp.	0,250
Nº Generaciones	100	Prob. Mut. Eliminar Comp.	0,125
Máx. Nº. Mut.	10	Prob. Mut. Dividir Comp.	0,125
$W_{coh}$	0,300	Prob. Mut. Unir Comp.	0,250
$W_{aco}$	0,400	Prob. Mut. Mover Clase	0,250
$W_{cv}$	0,300	Número de componentes	2-8



*datapro4j*

Problema						
NekoHTML	24	16	5	0	0	10
AquaLush	58	69	6	0	0	20
Datapro4j	59	4	18	1	4	50

**SDMetrics**<sup>®</sup>

# Experimentación

## Resultados obtenidos

- Introducción
  - Mejores valores en media para *fitness*, cohesión y acoplamiento
  - Encuentra agrupaciones originales de clases
  - Mantiene la diversidad de arquitecturas
  - Diferencias significativas (Wilcoxon, 90%)

Problema	Programación Evolutiva				Búsqueda Aleatoria			
	<i>Fitness</i>	<i>Coh.</i>	<i>Acopl.</i>	<i>CV</i>	<i>Fitness</i>	<i>Coh.</i>	<i>Acopl.</i>	<i>CV</i>
NekoHTML	<b>0,7301 ± 0,0014</b>	<b>0,1977 ± 0,0105</b>	<b>0,0000 ± 0,0000</b>	0,7806 ± 0,1208	0,6198 ± 0,0402	-0,0390 ± 0,0828	0,1420 ± 0,0776	<b>0,3129 ± 0,2576</b>
AquaLush	<b>0,6793 ± 0,0254</b>	<b>0,1262 ± 0,0446</b>	<b>0,0600 ± 0,0899</b>	0,9222 ± 0,0754	0,4640 ± 0,0112	-0,2510 ± 0,0401	0,3694 ± 0,0346	<b>0,3460 ± 0,1014</b>
Datapro4j	<b>0,4780 ± 0,0206</b>	<b>0,0767 ± 0,0991</b>	<b>0,5200 ± 0,0623</b>	0,9868 ± 0,2571	0,3316 ± 0,0102	0,0541 ± 0,0980	0,9522 ± 0,1001	<b>0,1008 ± 0,0963</b>

# Conclusiones y trabajo futuro

## Conclusiones

Algoritmo para la **optimización de arquitecturas software**

Novedad en el **enfoque** del problema

Representación y operadores **específicos**

*Fitness* inspirado en conceptos habituales en **I. Software**



## Trabajo futuro

Creación de **nuevos operadores**

Aplicación de otras **metaheurísticas** o su **hibridación**

Inclusión de **interactividad** con el experto





# Algoritmo de programación evolutiva para identificación de arquitecturas software

A. Ramírez, J.R. Romero, S. Ventura

*Muchas Gracias*

Dpto. de Informática y Análisis Numérico. Universidad de Córdoba, España.

***IX Congreso Español de Metaheurísticas, Algoritmos Evolutivos y Bioinspirados. Madrid (España). 17-20 de septiembre de 2013.***



# Un ejemplo...

## Cohesión

$$\text{Componente1} \rightarrow n_{gr1} = 3, n_{cl1} = 5, n_{as1} = 1, n_{ge1} = 1$$

$$coh_1 = -0,1750$$

$$\text{Componente2} \rightarrow n_{gr2} = 2, n_{cl2} = 3, n_{de2} = 1$$

$$coh_2 = -0,2250$$

$$coh = \frac{-0,1750 + (-0,2250)}{2} = -0,2000$$

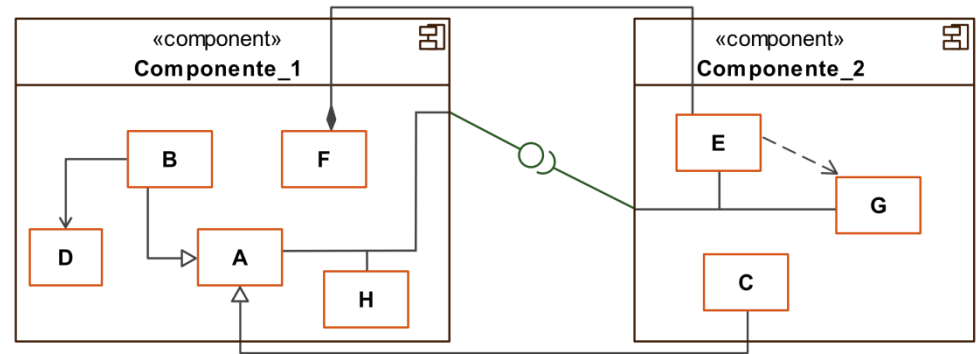
## Acoplamiento

$$\text{Inter-relaciones} \rightarrow r_{1,2}^1 = w_{co} = 3, r_{1,2}^2 = w_{ge} = 1$$

$$R = \max(3, 5) = 5$$

$$R_{\max} = w_{ge} = 5$$

$$acopl = \frac{1}{5} \cdot \frac{2 \cdot 5 \cdot 1}{2} = 1$$



$$w_{as} = 1, w_{de} = 1$$

$$w_{co} = 3, w_{ge} = 5$$

$$w_{c1} = 0,5, w_{c2} = 0,5$$

## CV

$$\mu = \frac{5+3}{2} = 4$$

$$\sigma = \sqrt{(5-4)^2 + (3-4)^2} = 1,4142$$

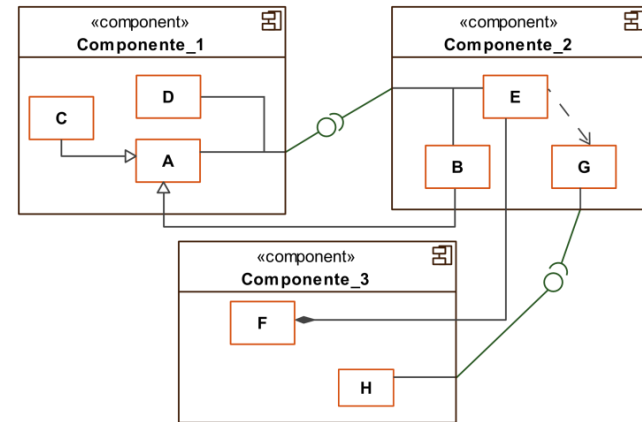
$$CV = \frac{1,4142}{4} = 0,3536$$

## Fitness

$$fitness = 0,2267$$

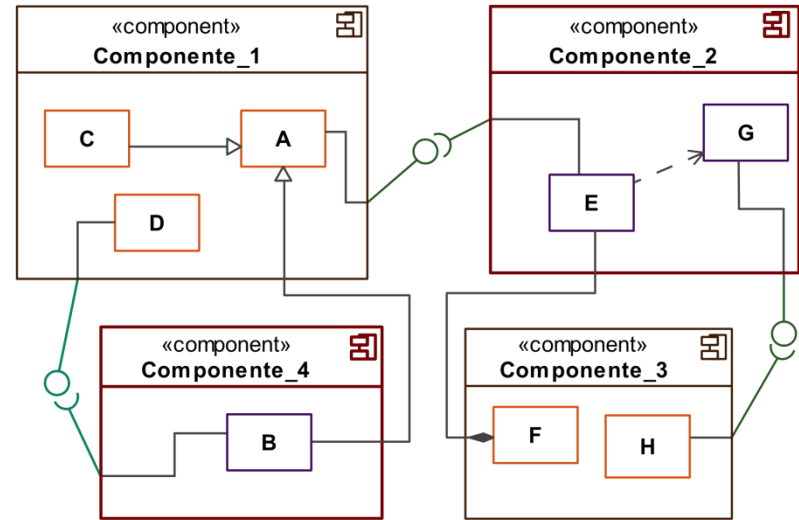
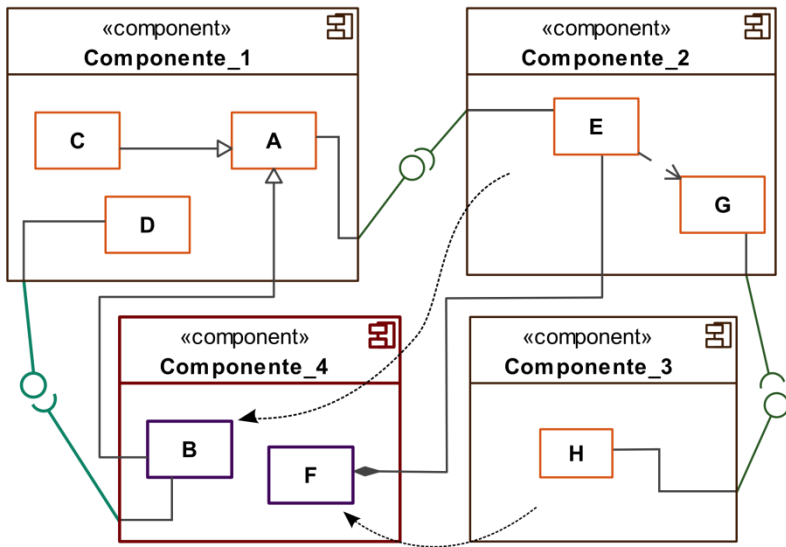
# Un ejemplo...

Individuo inicial



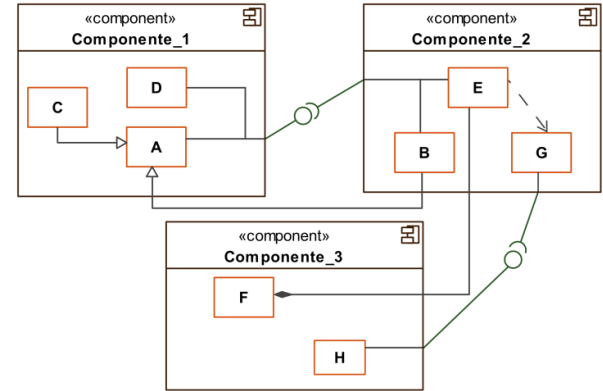
Añadir un componente

Dividir un componente

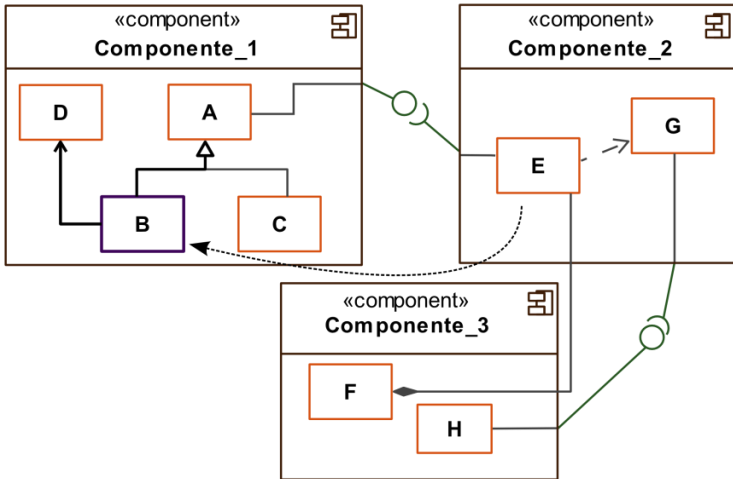


# Un ejemplo...

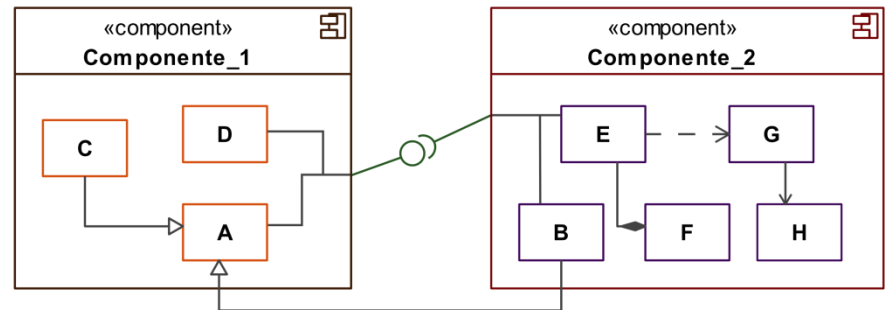
Individuo inicial



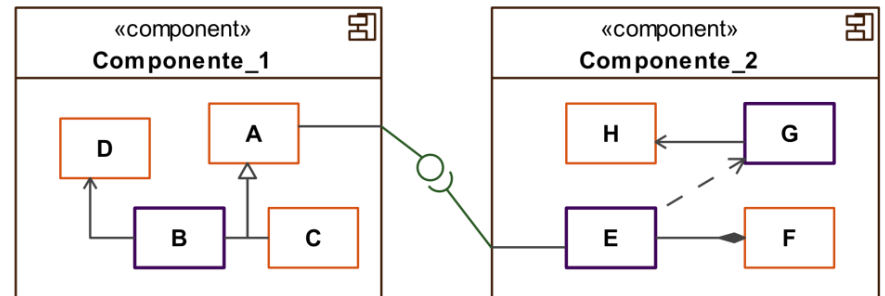
Mover una clase



Unir dos componentes



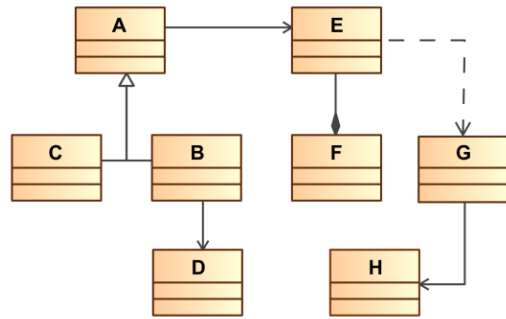
Eliminar un componente



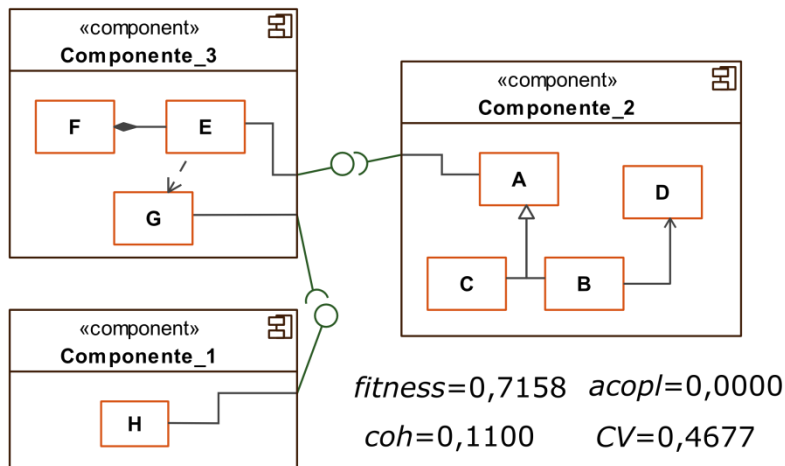
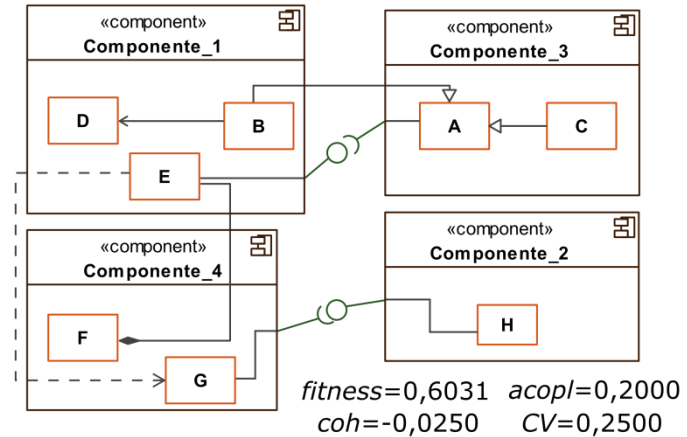


# Un ejemplo...

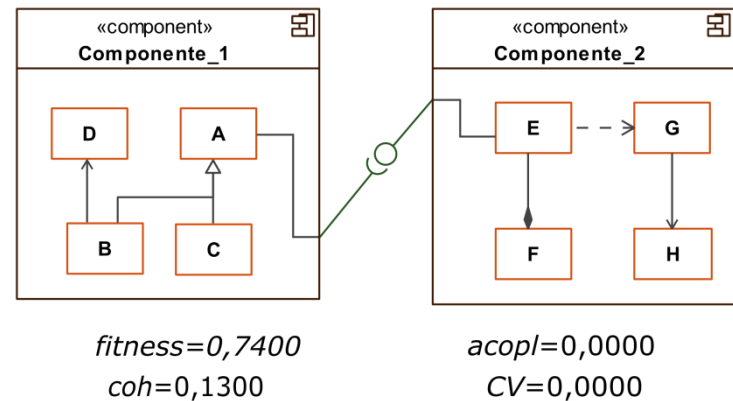
## Modelo de análisis



## Individuo inicial



## Tras 5 generaciones



## Tras 10 generaciones